



Bioinformatika és genomanalízis az orvostudományban

Szekvenciaelemzés gyakorlat

Cserző Miklós

2020

<https://semmelweis.zoom.us/j/96102872458?pwd=Rk1PL2tqS21sdIUwc3B4eDFCZkNKQT09>



A gyakorlat célja

- Felhasználni az eddig tanultakat
 - Integrált adatbázisok
 - Keresés adatbázisokban
- Kritikusan értékelni az adatbázisok tartalmát
- Új tudományos eredményeket elérni



“hypothetical” gének

- Keressünk lehetséges géneket az ENSEMBL adatbázisban a “hypothetical” keresőszóval
- A genomok mennyi lehetséges gént tartalmaznak?
- Lehet-e mondani róluk mégis valamit?
- Mi a lehet a baj a kiválasztott génnel?
- SSID: EOKguest
- PASS: eokguest